



Title	トランスポゾンmariner様配列の多様性比較解析（生物の種分岐、生息場所の観点から）
Author(s)	川西, 祐一; 高石, 礼子; 嘉数, 晋毅; 田中, 千晶; 大西, 一志; 田中, 淳一; 徳田, 岳; 中島, 裕美子
Citation	琉球大学21世紀プログラム「サンゴ礁島嶼系の生物多様性の総合解析」平成17年度成果発表会
Issue Date	2006-03-06
URL	http://hdl.handle.net/20.500.12000/786
Rights	

ブリ由来の MLE 配列を含めて系統解析を行った。得られた系統樹とシロアリ類の各科の分岐図と比較した結果、両者の樹形は一致していなかった。

参考文献

- 1 Nakajima, Y., Nakamura, T., Banno, Y., Fujimoto, H., Hashido, K., Shiino, T., Tsuchida, K., Takada, N., and Maekawa, H. Comparison of mariner-like elements among *Bombyx mandarina* individuals inhabiting East Asia in the light of the segregation of *B. mori* and *B. mandarina* genomes. : *J. Wild Silkmoth & Silk*, 8, 57-64, 2003.
- 2 Nakajima, Y., Fujimoto, H., Negishi, T., Hashido, k., Shiino, T., Tsuchida, K., Hidaka, M., Takada, N., Maekawa., H. Possible horizontal transfer of mariner-like sequences into some invertebrates including lepidopteran insects, a grasshopper and a coral. : *J. Insect Biotechnology and Sericology*, 71, 109 -121, 2002.
- 3 Nakajima, Y., Hashido, K., Tsuchida, K., Takada, N., Shiino, T., Maekawa H. A novel tripartite structure comprising a mariner-like element and two additional retrotransposons found in the *Bombyx mori* genome. : *J. Mol. Evol.*, 48 , 577-585, 1999.